



# Dynamische Programmierung (4)

Editierdistanz  
Approximative Zeichenkettensuche  
Sequence Alignment

Prof. Dr. S. Albers  
Prof. Dr. Th Ottmann

# Dynamisches Programmieren

---

- Algorithmenentwurfstechnik, oft bei Optimierungsproblemen angewandt
- Allgemein einsetzbar bei rekursiven Problemlöseverfahren, wenn Teillösungen mehrfach benötigt werden
- Lösungsansatz: Tabellieren von Teilergebnissen
- Vorteil: Laufzeitverbesserungen, oft polynomiell statt exponentiell

# Zwei verschiedene Ansätze

---

## **Bottom-up:**

- + kontrollierte effiziente Tabellenverwaltung, spart Zeit
- + spezielle optimierte Berechnungsreihenfolge, spart Platz
- weitgehende Uncodierung des Originalprogramms erforderlich
- möglicherweise Berechnung nicht benötigter Werte

## **Top-down:** ( Memoisierung, Notizblockmethode)

- + Originalprogramm wird nur gering oder nicht verändert
- + Nur tatsächlich benötigte Werte werden berechnet
- separate Tabellenverwaltung benötigt Zeit
- Tabellengröße oft nicht optimal

## Editier-Distanz

Berechne für zwei gegebene Zeichenfolgen  $A$  und  $B$  möglichst effizient die Editier-Distanz  $D(A,B)$  und eine minimale Folge von Editieroperationen, die  $A$  in  $B$  überführt.

i n f - - - o r m a t i k -  
i n t e r p o l - a t i o n

## Approximative Zeichenkettensuche

Finde für einen gegebenen Text  $T$ , ein Muster  $P$  und eine Distanz  $d$  alle Teilketten  $P'$  in  $T$  mit  $D(P, P') \leq d$

## Sequence Alignment

Finde optimale Alignments zwischen DNA-Sequenzen

```
G A G C A - C T T G G A T T C T C G G
- - - C A C G T G G - - - - - - - - -
```

# Editier-Distanz

---

**Gegeben:** Zwei Zeichenketten  $A = a_1a_2 \dots a_m$  und  $B = b_1b_2 \dots b_n$

**Gesucht:** Minimale Kosten  $D(A,B)$  für eine Folge von Editieroperationen, um  $A$  in  $B$  zu überführen.

## Editieroperationen:

1. Ersetzen eines Zeichens von  $A$  durch ein Zeichen von  $B$
2. Löschen eines Zeichens von  $A$
3. Einfügen eines Zeichens von  $B$

# Editier-Distanz

---

Einheitskostenmodell:

$$c(a,b) = \begin{cases} 1 & \text{falls } a \neq b \\ 0 & \text{falls } a = b \end{cases}$$

$a = \varepsilon, b = \varepsilon$  möglich

Dreiecksungleichung soll für  $c$  im allgemeinen gelten:

$$c(a,c) \leq c(a,b) + c(b,c)$$

→ Ein Buchstabe wird höchstens einmal verändert

# Editier-Distanz

Spur als Repräsentation von Editiersequenzen

A =	b	a	a	c	a	a	b	c
			/	/			/	/
B =	a	b	a	c	b	c	a	c

oder mit Indels

A =	-	b	a	a	c	a	-	a	b	c
B =	a	b	a	-	c	b	c	a	-	c

Editier-Distanz (Kosten) : 5

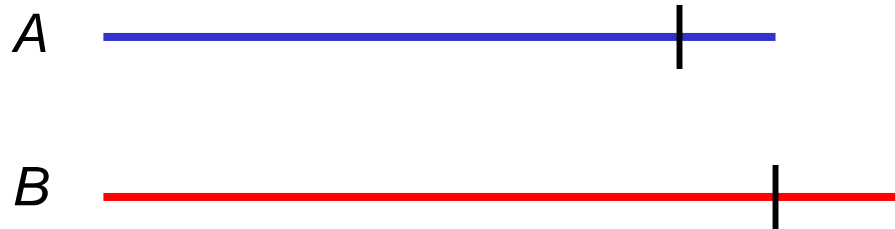
Aufteilung einer optimalen Spur ergibt zwei optimale Teilspuren  
 → Dynamische Programmierung anwendbar



# Berechnung der Editier-Distanz

Sei  $A_i = a_1 \dots a_i$  und  $B_j = b_1 \dots b_j$

$$D_{i,j} = D(A_i, B_j)$$



# Berechnung der Editier-Distanz

---

Drei Möglichkeiten eine Spur zu beenden:

1.  $a_m$  wird durch  $b_n$  ersetzt:

$$D_{m,n} = D_{m-1,n-1} + c(a_m, b_n)$$

2.  $a_m$  wird gelöscht:  $D_{m,n} = D_{m-1,n} + 1$

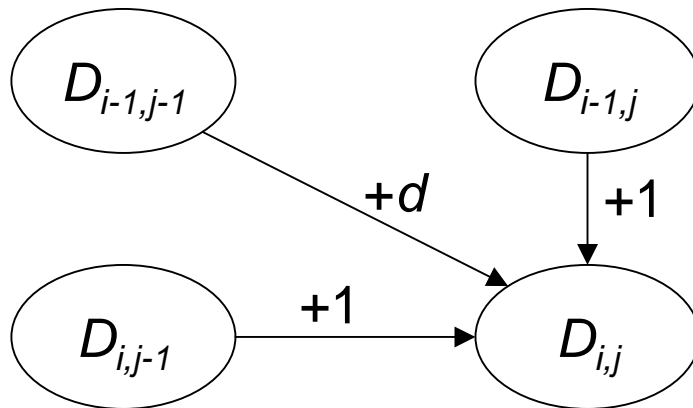
3.  $b_n$  wird eingefügt:  $D_{m,n} = D_{m,n-1} + 1$

# Berechnung der Editier-Distanz

Rekursionsgleichung, falls  $m, n \geq 1$ :

$$D_{m,n} = \min \left\{ \begin{array}{l} D_{m-1,n-1} + c(a_m, b_n), \\ D_{m-1,n} + 1, \\ D_{m,n-1} + 1 \end{array} \right\}$$

→ Berechnung aller  $D_{i,j}$  erforderlich,  $0 \leq i \leq m$ ,  $0 \leq j \leq n$ .



## Anfangsbedingungen:

$$D_{0,0} = D(\varepsilon, \varepsilon) = 0$$

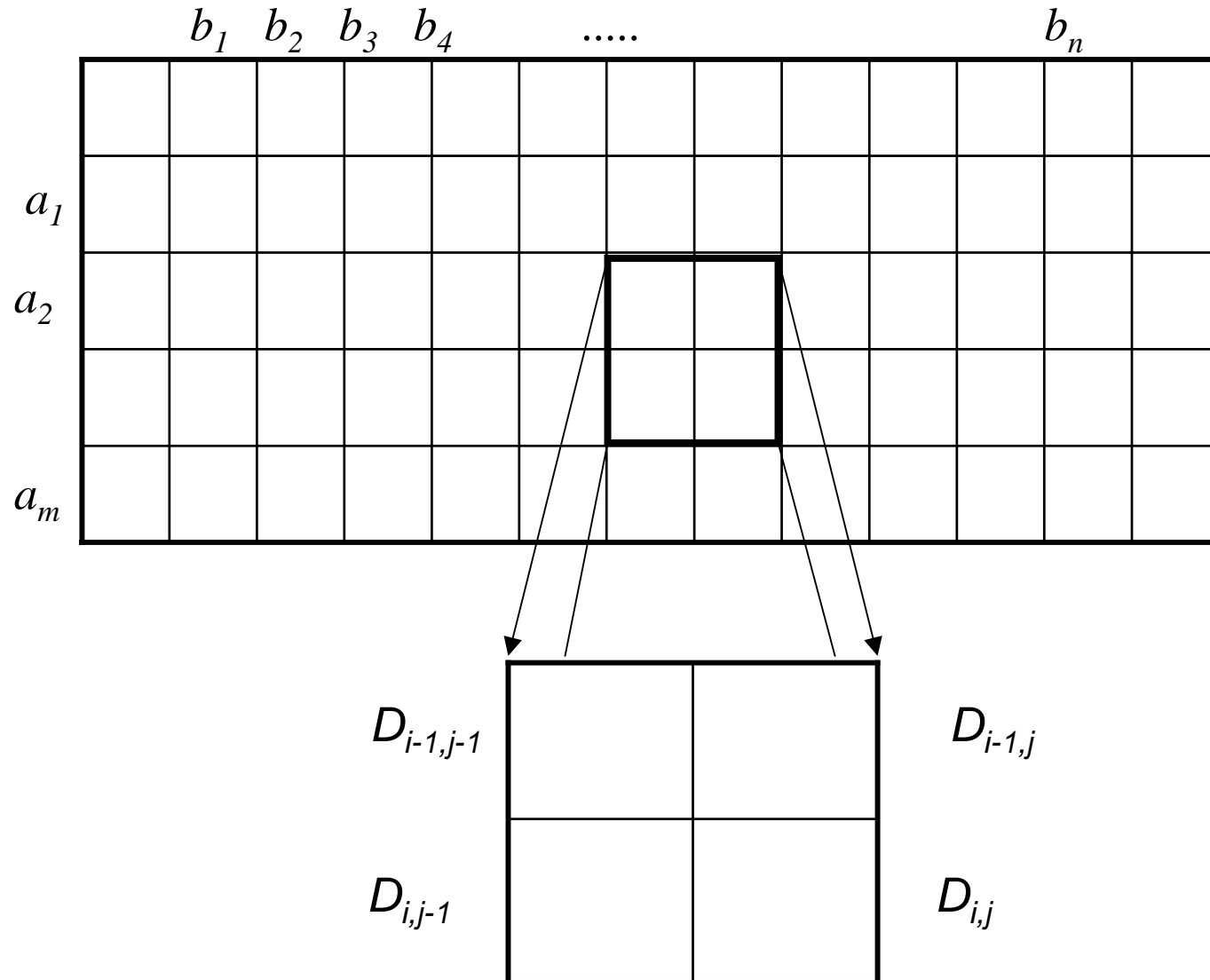
$$D_{0,j} = D(\varepsilon, B_j) = j$$

$$D_{i,0} = D(A_i, \varepsilon) = i$$

## Rekursionsgleichung:

$$D_{i,j} = \min \left\{ \begin{array}{l} D_{i-1,j-1} + c(a_i, b_j) \\ D_{i-1,j} + 1 \\ D_{i,j-1} + 1 \end{array} \right\}$$

# Berechnungsreihenfolge für die Editier-Distanz



# Algorithmus für die Editier-Distanz

## Algorithmus Editierdistanz

**Input:** Zwei Zeichenketten  $A = a_1 \dots a_m$  und  $B = b_1 \dots b_n$

**Output:** Die Matrix  $D = (D_{ij})$

1  $D[0,0] := 0$

2 **for**  $i := 1$  **to**  $m$  **do**  $D[i,0] = i$

3 **for**  $j := 1$  **to**  $n$  **do**  $D[0,j] = j$

4 **for**  $i := 1$  **to**  $m$  **do**

5   **for**  $j := 1$  **to**  $n$  **do**

6          $D[i,j] := \min( D[i-1,j] + 1,$

7                      $D[i,j-1] + 1,$

8                      $D[i-1, j-1] + c(a_i, b_j))$

# Beispiel für die Editier-Distanz

		a	b	a	c
	0	1	2	3	4
b	1				
a	2				
a	3				
c	4				

# Berechnung der Editieroperation

**Algorithmus** Editieroperationen ( $i, j$ )

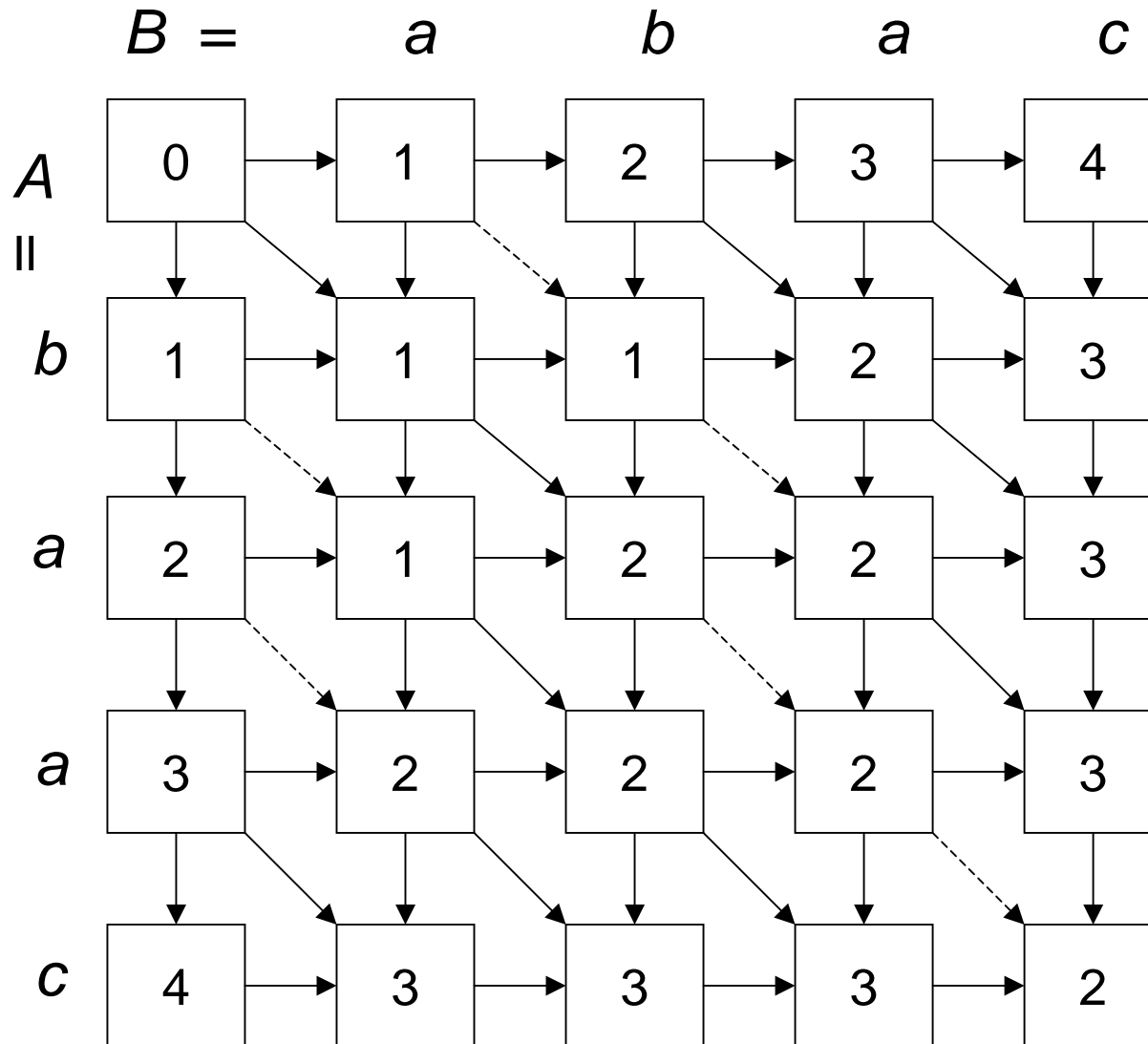
**Input:** Berechnet Matrix  $D$

```
1  if  $i = 0$  and  $j = 0$  then return
2  if  $i \neq 0$  and  $D[i, j] = D[i - 1, j] + 1$ 
3    then „lösche  $a[i]$ “
4      Editieroperationen ( $i - 1, j$ )
5  else if  $j \neq 0$  and  $D[i, j] = D[i, j - 1] + 1$ 
6    then „füge  $b[j]$  ein“
7      Editieroperationen ( $i, j - 1$ )
8  else
9    /*  $D[i, j] = D[i - 1, j - 1] + c(a[i], b[j])$  */
10   „ersetze  $a[i]$  durch  $b[j]$ “
    Editieroperationen ( $i - 1, j - 1$ )
```

**Aufruf:** Editieroperationen( $m, n$ )



# Spurgraph der Editieroperationen



# Subgraph der Editieroperationen

---

**Spurgraph:** Übersicht über alle möglichen Spuren zur Transformation von  $A$  in  $B$ , gerichtete Kanten von Knoten  $(i, j)$  zu  $(i + 1, j)$ ,  $(i, j + 1)$  und  $(i + 1, j + 1)$ .

Gewichtung der Kanten entsprechen den Editierkosten.

Kosten nehmen entlang eines optimalen Weges monoton zu.

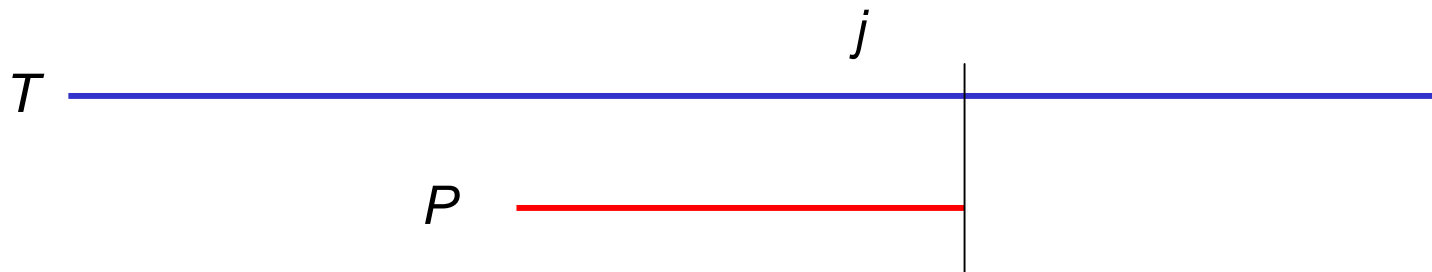
Jeder Weg mit monoton wachsenden Kosten von der linken oberen Ecke zu rechten unteren Ecke entspricht einer optimalen Spur.

# Approximative Zeichenkettensuche

**Gegeben:** zwei Zeichenketten  $P = p_1 p_2 \dots p_m$  (Muster) und  $T = t_1 t_2 \dots t_n$  (Text)

**Gesucht:** Ein Intervall  $[j', j]$ ,  $1 \leq j' \leq j \leq n$ , so dass das Teilwort  $T_{j', j} = t_{j'} \dots t_j$  das dem Muster  $P$  ähnlichste Teilwort von  $T$  ist, d.h. für alle anderen Intervalle  $[k', k]$ ,  $1 \leq k' \leq k \leq n$ , gilt:

$$D(P, T_{j', j}) \leq D(P, T_{k', k})$$



# Approximative Zeichenkettensuche

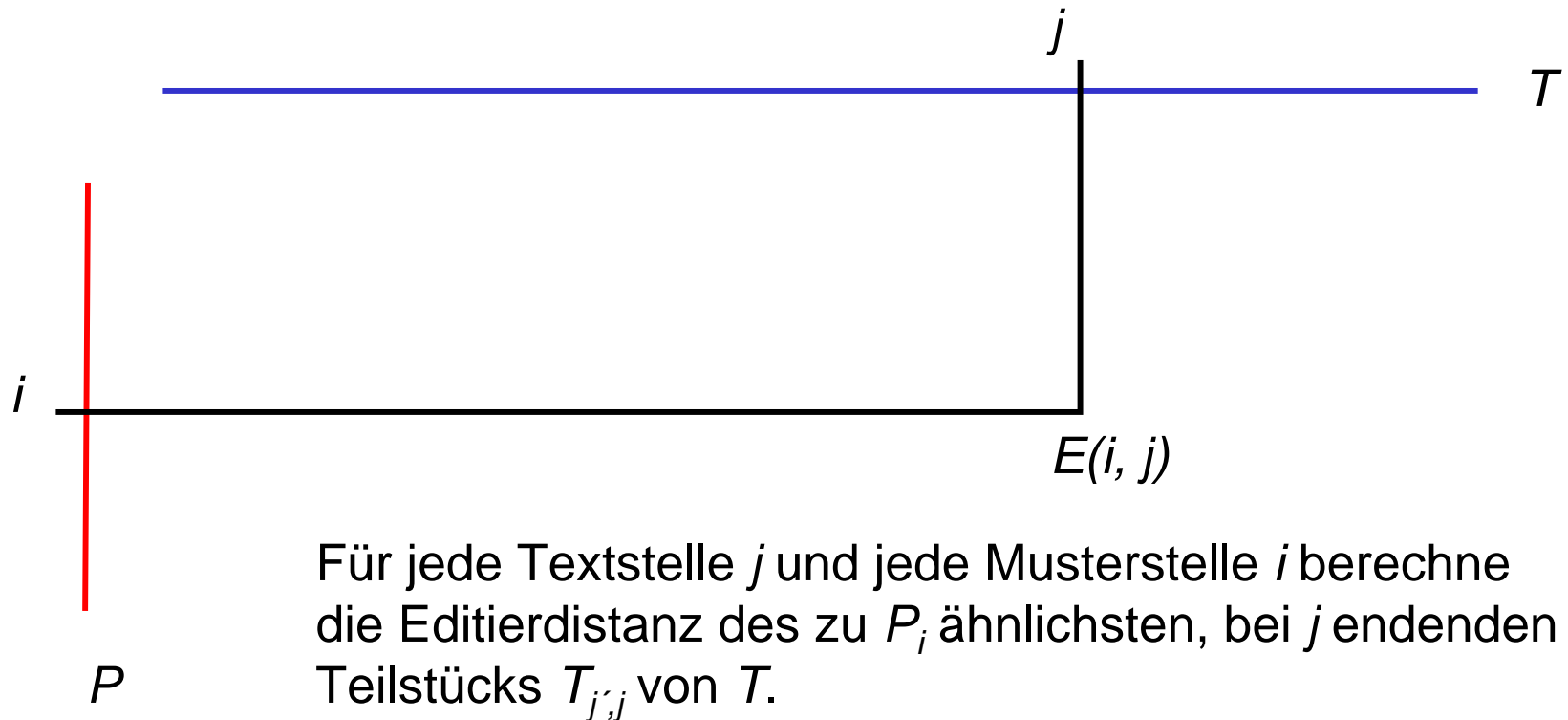
---

## Naives Verfahren:

**for all**  $1 \leq j' \leq j \leq n$  **do**  
    Berechne  $D(P, T_{j',j})$   
wähle Minimum

# Approximative Zeichenkettensuche

Betrachte verwandtes Problem:



# Approximative Zeichenkettensuche

## Methode:

for all  $1 \leq j \leq n$  do

Berechne  $j'$ , so dass  $D(P, T_{j',j})$  minimal ist

Für  $1 \leq i \leq m$  und  $0 \leq j \leq n$  sei:

$$E_{i,j} = \min_{1 \leq j' \leq j+1} D(P_i, T_{j',j})$$

## Optimale Spur:

$$\begin{array}{rcccccccc}
 P_i & = & b & a & a & c & a & a & b & c \\
 & & | & | & // & // & | & // & & \\
 T_{j',j} & = & b & a & c & b & c & a & c & 
 \end{array}$$

# Approximative Zeichenkettensuche

## Rekursionsgleichung:

$$E_{i,j} = \min \left\{ \begin{array}{l} E_{i-1,j-1} + c(p_i, t_j), \\ E_{i-1,j} + 1, \\ E_{i,j-1} + 1 \end{array} \right\}$$

## Bemerkung:

$j'$  kann für  $E_{i-1,j-1}$ ,  $E_{i-1,j}$  und  $E_{i,j-1}$  ganz verschieden sein.  
Teilspur einer optimalen Spur ist eine optimale Teilspur.

# Approximative Zeichenkettensuche

## Anfangsbedingungen:

$$E_{0,0} = E(\varepsilon, \varepsilon) = 0$$

$$E_{i,0} = E(P_j, \varepsilon) = i$$

aber

$$E_{0,j} = E(\varepsilon, T_j) = 0$$

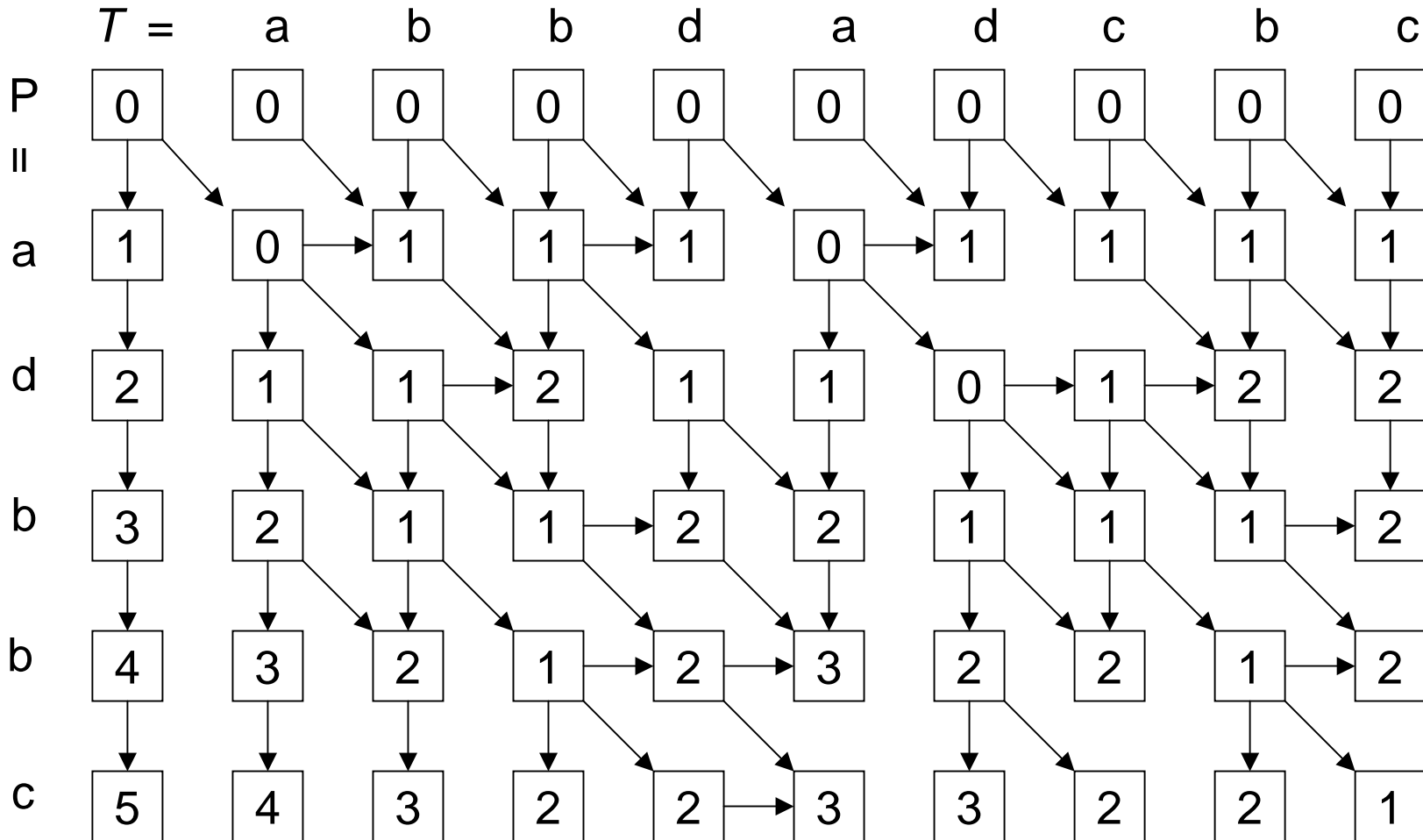
## Beobachtung:

Die optimale Editiersequenz von  $P$  nach  $T_{j',j}$  beginnt nicht mit einer Einfügung von  $t_j$ .



# Approximative Zeichenkettensuche

## Abhängigkeitsgraph



# Approximative Zeichenkettensuche

---

## Satz

Gibt es im Abhängigkeitsgraphen einen Weg von  $E_{0, j-1}$  nach  $E_{i, j}$ , so ist  $T_{j', j}$  ein zu  $P_i$  ähnlichstes, bei  $j$  endendes Teilstück von  $T$  mit

$$D(P_i, T_{j', j}) = E_{i, j}$$

# Ähnlichkeit von Zeichenketten

---

## Sequence Alignment:

Finde für zwei DNA – Sequenzen Einfügestellen von Leerzeichen, so dass die Sequenzen möglichst ähnlich sind

```
G A - C G G A T T A G
G A T C G G A A T A G
```

# Ähnlichkeit von Zeichenketten

Ähnlichkeitsmaß für Zeichenpaare:

Bsp.	Situation	allgemein
+ 1	für Match	} $s(a,b)$
- 1	für Mismatch	
- 2	FürLeerzeichen	- c

Ähnlichkeitsmaß für Sequenzen:

$$S(A, B) = \sum_{\text{alle Zeichenpaare}} \text{Ähnlichkeit des Zeichenpaars}$$

**Ziel: Finde Alignment mit optimaler Ähnlichkeit**

# Ähnlichkeit von Zeichenketten

---

Ähnlichkeiten zweier Zeichenketten  $S(A,B)$

## Operationen:

1. Ersetzen eines Zeichens  $a$  durch ein Zeichen  $b$  :  
Gewinn:  $s(a,b)$
2. Löschen eines Zeichens von  $A$ , Einfügen eines Zeichens von  $B$   
Verlust:  $-c$

## Aufgabe:

Finde eine Folge von Operationen zur Umwandlung von  $A$  in  $B$ , so dass die Summe der Gewinne maximiert wird.

# Ähnlichkeit von Zeichenketten

$$S_{i,j} = S(A_i, B_j), 0 \leq i \leq m, 0 \leq j \leq n$$

**Rekursionsgleichung:**

$$S_{m,n} = \max \left( S_{m-1,n-1} + s(a_m, b_n), \right. \\ \left. S_{m-1,n} - c, S_{m,n-1} - c \right)$$

**Anfangsbedingung:**

$$S_{0,0} = S(\varepsilon, \varepsilon) = 0 \\ S_{0,j} = S(\varepsilon, B_j) = -jc \\ S_{i,0} = S(A_i, \varepsilon) = -ic$$

# Ähnlichste Teilzeichenketten

**Gegeben:** zwei Zeichenketten  $A = a_1 \dots a_m$  und  $B = b_1 \dots b_n$

**Gesucht:** Ein zwei Intervalle  $[i', i] \subseteq [1, m]$  und  $[j', j] \subseteq [1, n]$ ,  
so dass:

$$S(A_{i',i}, B_{j',j}) \geq S(A_{k',k}, B_{l',l}),$$

für alle  $[k', k] \subseteq [1, m]$  und  $[l', l] \subseteq [1, n]$ .

**Naives Verfahren:**

**for all**  $[i', i] \subseteq [1, m]$  **and**  $[j', j] \subseteq [1, n]$  **do**

Berechne  $S(A_{i',i}, B_{j',j})$

# Ähnlichste Teilzeichenketten

## Methode:

**for all**  $1 \leq i \leq m, 1 \leq j \leq n$  **do**

Berechne  $i'$  und  $j'$ , so dass  $S(A_{i',i}, B_{j',j})$  maximal ist

Für  $0 \leq i \leq m$  und  $0 \leq j \leq n$  sei:

$$H_{i,j} = \max_{\substack{1 \leq i' \leq i+1, \\ 1 \leq j' \leq j+1}} S(A_{i',i}, B_{j',j})$$

Optimale Spur:

$$\begin{array}{rcccccccc}
 A_{i',i} & = & b & a & a & c & a & - & a & b & c \\
 & & | & | & & | & \mathbf{I} & & | & & | \\
 B_{j',j} & = & b & a & - & c & b & c & a & - & c
 \end{array}$$



**Rekursionsgleichung:**

$$H_{i,j} = \max \left\{ \begin{array}{l} H_{i-1,j-1} + s(a_i, b_j), \\ H_{i-1,j} - c, \\ H_{i,j-1} - c, \\ 0 \end{array} \right\}$$

**Anfangsbedingung:**

$$H_{0,0} = H(\varepsilon, \varepsilon) = 0$$

$$H_{i,0} = H(A_j, \varepsilon) = 0$$

$$H_{0,j} = H(\varepsilon, B_j) = 0$$